

## CARACTERIZAÇÃO DE GERMOPLASMA DE JATOBÁ-DO-CERRADO (*Hymenaea stigonocarpa* Mart. ex Hayne) VIA ASPECTOS MORFOLÓGICOS FOLIARES

Renato Gomide de Sousa<sup>2</sup>; Adelia David de Paula Moura<sup>2</sup>; Lázaro José Chaves<sup>1\*</sup>; Miriam Suzane Vidotti<sup>1</sup>

<sup>1</sup>Escola de Agronomia. Universidade Federal de Goiás. Goiânia-GO, Brasil.

<sup>2</sup>Curso de Graduação em Agronomia. Universidade Federal de Goiás. Goiânia-GO, Brasil. \*[Ichaves@ufg.br](mailto:Ichaves@ufg.br)

O gênero *Hymenaea*, popularmente conhecido como jatobá, possui algumas espécies distribuídas pelo Cerrado e é valorizado por suas propriedades medicinais, econômicas e ecológicas. No entanto, apesar de sua importância, enfrenta ameaças significativas devido à degradação do habitat, exploração inadequada e mudanças ambientais. Assim, a compreensão da variabilidade genética de coleções de germoplasma pode fornecer informações valiosas para o desenvolvimento de estratégias de conservação e melhoramento genético. O objetivo desse trabalho foi caracterizar a coleção de germoplasma *in vivo* de *H. stigonocarpa* da Universidade Federal de Goiás por meio de características morfológicas foliares. A coleção foi estabelecida em 2012 em Goiânia a partir de 120 progênies de 24 subpopulações (procedências) de cinco estados brasileiros, num total de 480 acessos individuais, disposta em delineamento de blocos completos casualizados com quatro repetições. Foram coletadas cinco folhas de cada um dos 286 acessos atuais da coleção. As características foliares (perímetro, área, área do casco convexo, largura, comprimento e excentricidade) foram obtidas via captura de imagens fotográficas e posterior análise pelo pacote-R "Pliman". A mensuração do comprimento do pecíolo foi realizada com auxílio de um paquímetro. Os dados foram submetidos a análises descritivas e, a partir de dois modelos lineares, foram estimados os componentes de variância para obtenção de parâmetros genéticos e estatísticos de cada caráter. Houve variação significativa entre subpopulações e entre progênies dentro de subpopulações para todos os caracteres avaliados. Os resultados evidenciaram que a variabilidade genética está estruturada com maior concentração entre progênies dentro de subpopulações. Foram encontradas estimativas de herdabilidade de médias a altas para os sete caracteres morfológicos foliares. Contudo, esses encontram-se altamente correlacionados, com exceção de excentricidade. A partir da análise de divergência por agrupamento foram formados dois grupos distintos, corroborando com estudos populacionais anteriormente realizados com dados fenotípicos e com marcadores moleculares. Portanto, esses resultados demonstram variabilidade genética na coleção de germoplasma de jatobá-do-cerrado analisada e podem ser úteis para auxiliar no estabelecimento de estratégias de conservação e melhoramento genético da espécie.

**Palavras-chave:** Cerrado; Coleção de germoplasma; Variabilidade Genética.