

ANÁLISE DA DISSIMILARIDADE GENÉTICA EM PIMENTEIRAS UTILIZANDO DESCRITORES DE FLORES

Yasmim Dias Nunes Rocha¹; Bruna dos Santos Torres²; Francisca Aparecida de Sousa Alves¹; Joara Milena da Silva Alves¹; Nataly Raquel Santana Marques¹; Rôzy Maria Almeida Nunes Carvalho¹; Raimundo Nonato Oliveira Silva¹

¹Universidade Federal do Piauí, *Campus Amílcar Ferreira Sobral*. ²Universidade Federal do Piauí, *Campus Ministro Petrônio Portella* yasmimdias.642@gmail.com.

As pimentas do gênero *Capsicum* são utilizadas como matéria-prima em diversos setores da indústria, farmácia e do segmento ornamental. Sua variabilidade genética possibilita estudos a fim de caracterizar e identificar indivíduos com caracteres de interesse para programas de melhoramento, além da importância dessas atividades para a conservação dos recursos genéticos. Dentre os descritores utilizados, aqueles referentes a flores são fundamentais para distinção de espécies, dando suporte a atividades de conservação e uso de germoplasma. Dessa forma, o presente estudo teve como objetivo analisar a dissimilaridade genética entre pimenteiras *Capsicum* da “Coleção de germoplasma de pimenteiras da Universidade Federal do Piauí”, utilizando descritores multicategóricos de flores. O experimento foi conduzido no telado da Fazenda do Colégio Técnico de Floriano, em delineamento inteiramente casualizado, com quatro repetições e uma planta por parcela. Foram avaliados 33 genótipos, utilizando-se oito descritores, sendo três quantitativos e cinco qualitativos. Os dados foram analisados conjuntamente, utilizando-se o algoritmo de Gower, como medida de distância. Em seguida foram obtidos os agrupamentos UPGMA e de Tocher. Para avaliar o ajuste entre a matriz de dissimilaridade e os agrupamentos gerados, utilizou-se o coeficiente de correlação cofenética (r). Todas as análises foram realizadas com o auxílio do programa R. Pelo método UPGMA houve a formação de seis grupos, com $r = 0,95$ indicando elevada consistência na alocação dos genótipos. O grupo III alocou maior número de genótipos incluindo Gen26, Gen05, Gen19, Gen21, Gen76, Gen74, Gen126, Gen134, Gen63 e Gen40 no qual apresentaram maiores similaridade em características como cor e formato da corola, cor antera e pigmentação do cálice. Em relação à análise de agrupamento Tocher foi possível observar a formação de oito grupos, com valor de $r = 0,98$. O grupo II reuniu-se dez genótipos Gen63, Gen140, Gen134, Gen126, Gen74, Gen121, Gen119, Gen05, Gen26 e Gen76, os quais destacaram-se pelas características diâmetro do cálice, comprimento e largura pétala da corola. Os genótipos estudados possuem ampla diversidade genética em relação a descritores de flores, sendo importantes para programas de melhoramento genético. Esses tipos de variáveis são eficientes em estimar a dissimilaridade genética entre genótipos de pimenteiras.

Palavras-chave: análise multivariada; *Capsicum*; recursos genéticos.

Agradecimentos: UFPI/CAFS.