

VARIABILIDADE GENÉTICA EM VARIEDADES CRIOULAS DE FEIJÃO COMUM NO ESTADO DE SÃO PAULO

Leonardo da Costa Lucas¹; Rodrigo Brisola Rocha¹; José Henrique Ribeiro da Silva¹; Vinicius de Souza Camilo¹; Nicole Kassoufe Perina¹; Guilherme Ferreira Melchert¹; Evandro Vagner Tambarussi¹; Maria Paula Barion Alves Nunes¹

¹Universidade Estadual Paulista Júlio de Mesquita Filho – Faculdade de Ciências Agrônomicas (UNESP/FCA), Botucatu-SP, Brasil. lc.lucas@unesp.br

O feijão-comum (*Phaseolus vulgaris* L.) é fundamental para a segurança alimentar global, sendo uma fonte rica em proteínas, vitaminas e minerais. O Brasil, segundo maior produtor e maior consumidor mundial, possui uma grande diversidade de variedades crioulas preservadas pela agricultura familiar. No entanto, a expansão da agricultura comercial tem ameaçado essa diversidade, substituindo variedades locais por cultivares modernas, o que pode levar à erosão genética e comprometer a adaptação do feijão a estresses bióticos e abióticos. Este estudo teve como objetivo investigar a variabilidade genética presente em quatorze variedades crioulas cultivadas em diferentes regiões produtoras do Estado de São Paulo por meio da caracterização de vinte e quatro descritores morfoagronômicos. A caracterização foi realizada de acordo com os descritores e recomendações do IPGRI (International Board for Plant Genetic Resources). O delineamento experimental foi de blocos casualizados com quatro repetições, sendo a unidade experimental composta por cinco fileiras de 1,0 m de comprimento, com espaçamento de 0,50 m e densidade de semeadura de 10 sementes por metro linear. As avaliações foram realizadas nas três linhas centrais de cada parcela, enquanto as linhas externas constituíram a bordadura. As observações para determinação de distinguibilidade foram feitas em, no mínimo, 20 plantas, sob competição. Ao todo foram avaliadas quinze características qualitativas e nove quantitativas. Os dados morfoagronômicos permitiram distinguir todas as variedades locais investigadas, revelando diferenças significativas em caracteres qualitativos e quantitativos, além de variações intra-varietais. Esses resultados indicam uma ampla variação entre e dentro das variedades crioulas de feijão-comum, permitindo a seleção de plantas com características agrônomicas desejáveis para os agricultores de diferentes regiões do Estado de São Paulo, com potencial para programas de melhoramento vegetal. Além disso, os resultados fornecem evidências da necessidade de implementar medidas de conservação, manejo e promoção dessas variedades nos sistemas agrícolas para preservar sua variabilidade genética.

Palavras-chave: *Phaseolus vulgaris* L.; recursos genéticos; caracterização morfoagronômica; melhoramento vegetal

Agradecimentos: Universidade Estadual Paulista Júlio de Mesquita Filho (UNESP/FCA); Agência UNESP de Inovação (AUin); Laboratório de Melhoramento de Plantas Agrícolas e Florestais (LAMPAP) e Programa de Iniciação Científica do CNPq.