

## DIVERSIDADE GENÉTICA ENTRE GENÓTIPOS DE *Vochysia divergens* POHL, NO PANTANAL MATOGROSSENSE

Ana Paula Roveda<sup>1\*</sup>; Kelli Évelin Müller Zortéa<sup>1</sup>; Carolina Joana da Silva<sup>2</sup>; Eliane Cristina Moreno de Pedri<sup>1</sup>; Auana Vicente Tiago<sup>3</sup>; Ana Aparecida Bandini Rossi<sup>1</sup>

<sup>1</sup>Universidade do Estado de Mato Grosso – UNEMAT, campus de Alta Floresta.

<sup>2</sup>Universidade do Estado de Mato Grosso – UNEMAT, campus de Cáceres. <sup>3</sup>Embrapa Agrossilvipastoril, Sinop. \*anapaularoveda@hotmail.com

*Vochysia divergens* Pohl (cambará), é uma espécie arbórea pertencente à família Vochysiaceae. Apresenta usos madeireiros, medicinais e de reflorestamento. No entanto, há poucos estudos sobre sua diversidade genética, que possam auxiliar em sua conservação *in situ* e uso sustentável. O presente estudo teve como objetivo avaliar a diversidade genética de genótipos nativos de cambará por meio de marcadores SSR (*Simple Sequence Repeats*). Para tanto, foram amostrados 40 indivíduos de *V. divergens* localizados na Transpantaneira, município de Poconé-MT. O DNA foi extraído de folhas jovens, seguindo o protocolo CTAB, com modificações para espécie. As amplificações foram realizadas via Reação em Cadeia da Polimerase (PCR) utilizando cinco *primers* SSR. Os dados obtidos foram analisados por meio do programa Power Marker. Os cinco marcadores microssatélites amplificaram um total de 14 alelos. O número médio de alelos por locus foi de 2,8. A heterozigosidade observada foi maior que a heterozigosidade esperada para os loci AL-08, A1-26, A1-35 e A1-39, com exceção do loci A1- 10. O índice de fixação foi negativo, indicando maior número de heterozigotos do que o esperado pelo Equilíbrio de Hardy-Weinberg. O Índice de conteúdo polimórfico (PIC) médio foi de 0,40. A maior dissimilaridade genética foi registrada entre os genótipos 21, 25, 32 e 33 em relação ao genótipo 9, com 0,40, ou seja, foram 40% dissimilares. O dendrograma UPGMA revelou a formação de dois grupos, sendo um grupo formado por 21 genótipos, e o outro grupo formado pelos demais genótipos (19) agrupados em vários subgrupos, demonstrando variabilidade entre os genótipos avaliados. Os *primers* utilizados para *V. divergens* foram eficazes em detectar polimorfismo nos genótipos em questão, demonstrando potencial para futuros estudos com a espécie. A heterozigosidade observada e o índice de fixação evidenciam que os genótipos analisados apresentam diversidade genética e devem ser conservados.

**Palavras-chave:** Cambará; Heterozigosidade; Conservação.

**Agradecimentos:** À Universidade do Estado de Mato Grosso (UNEMAT). À Coordenação de Aperfeiçoamento de Pessoal de Nível Superior (CAPES). Ao Programa de Pesquisa Ecológica de Longa Duração (PELD Pantanal).