



MARCADORES MOLECULARES PARA IDENTIFICAÇÃO E ESTUDO DE DIVERSIDADE DE *Brevipalpus* spp. (ACARI: TENUIPALPIDAE): INFORMAÇÕES PRELIMINARES

MOLECULAR MARKERS FOR IDENTIFICATION AND STUDY OF DIVERSITY OF *Brevipalpus* spp. (ACARI: TENUIPALPIDAE): PRELIMINARY INFORMATION

T.E. Sinico^{1,2}, M.A. Nunes², J.L.C. Mineiro³, R.S. Mendonça⁴, D. Navia⁵ & V.M. Novelli²
¹Licenciatura em Ciências Biológicas, UFSCar - CCA (Universidade Federal de São Carlos – Centro de Ciências Agrárias), Araras, SP; ²Centro APTA Citros “Sylvio Moreira” – Instituto Agrônomo, Cordeirópolis, SP; ³Instituto Biológico, Campinas, SP; ⁴FUNAPE, UFG, Brasília, DF; ⁵EMBRAPA Recursos Genéticos e Biotecnologia, Brasília, DF.

Ácaros do gênero *Brevipalpus* apresentam grande importância agrícola. Algumas espécies são vetoras de fitovírus que causam doenças em culturas economicamente importantes, como citros, café, maracujá, e ornamentais. O controle dos ácaros vetores implica em elevados gastos financeiros e ambientais. Nos últimos anos, a maioria dos estudos concentrou-se na interação vetor-vírus-hospedeiro e pouco se explorou sobre parâmetros biológicos e genéticos desse ácaro. Recentemente foi publicada uma revisão taxonômica de *Brevipalpus phoenicis* e os dados morfológicos indicaram a existência de um complexo de espécies, resultando em um reposicionamento taxonômico, bem como na descrição de novas espécies. Porém, ainda são escassos os estudos moleculares visando a complementação das informações nesta diferenciação. Com objetivo de disponibilizar ferramentas para auxiliar na identificação das espécies e estudar a variabilidade genética desses ácaros, foram utilizadas as regiões gênicas citocromo oxidase I (COI) e actina, em sete populações isoladas, provenientes de diferentes localidades e plantas hospedeiras. Concomitantemente, foram feitas avaliações morfológicas destas populações seguindo a chave taxonômica estabelecida, considerando o prodorso, opistossoma, palpos, espermateca e padrão de reticulação das placas ventrais. Os fragmentos amplificados foram clonados e sequenciados. Os dados foram analisados pelo programa CLC Genomics Workbench, formando as sequências consenso de cada população. Essas sequências foram alinhadas e o estudo de diversidade realizado através do programa Mega 6. De acordo com a caracterização morfológica, cinco populações isoladas foram classificadas como pertencentes ao grupo “B”, atualmente denominado *Brevipalpus yothersi* Baker, e duas outras apresentaram morfologia conflitante, necessitando de análises de microscopia mais refinadas para definição. Os resultados moleculares foram concordantes com as observações morfológicas, tendo sido possível a identificação de certo distanciamento genético dessas populações em conflito. Os resultados sugerem que os genes COI e actina apresentam potencial como marcadores genéticos, podendo ser ferramentas complementares aos estudos taxonômicos de espécies de *Brevipalpus*.

Palavras-chave: ácaro da leprose, actina, citocromo oxidase
Financiamento: FAPESP, CNPq