



# **XL CONGRESSO PAULISTA DE FITOPATOLOGIA**

## **Instituto Agronômico - Campinas, SP**

**7 a 9 de Fevereiro de 2017**

**GENES DE AVIRULÊNCIA NO PATÓGENO DA BRUSONE DO TRIGO (*Pyricularia graminis-tritici*). /**  
Avirulence genes in the wheat blast pathogen (*Pyricularia graminis-tritici*). S.S. MOREIRA, V.L.  
CASTROAGUDÍN, P.C. CERESINI. Universidade Estadual Paulista, DEFERS, Ilha Solteira, SP, Brazil.  
PIBITI33661-2015/2016, FAPESP2015/10453-8, suellen\_sousa\_moreira@hotmail.com,  
paulo.ceresini@bio.feis.unesp.br.

*Pyricularia graminis-tritici* (Pgt) é o agente causal da brusone do trigo no Brasil (Castroagudín et al., *Persoonia*, 37:199-216, 2016). Já foram identificadas diferentes raças em Pgt (Maciel et al., *Phytopathology*, 104:95-107, 2014); porém, a base genética dos espectros de virulência é desconhecida. Estudamos os polimorfismos de presença/ausência e de sequência, e o tipo de seleção atuando em 10 loci de avirulência (Avr) de 64 isolados de Pgt representando 25 raças. Sequências de *P. oryzae* (Po) e *P. grisea* (Pg) foram obtidas do NCBI para comparação. *Avr-Pia*, *-Pita*, *-Pik* e *PWL1* estavam ausentes em Pgt. Os loci com maior diversidade foram *Avr1CO39* (62 isolados, 5 alelos), *Avr-Pizt* (64 isolados, 3 alelos) e *PWL4* (52 isolados, 2 alelos), e mostraram baixos níveis de diversidade de nucleotídeos e sinal de seleção neutra por teste de T de Tajima. Já para *Avr-Pii*, *PWL2* e *PWL3* somente um alelo foi detectado para 61, 12 e 5 isolados, respectivamente. Em todos os loci exceto *AvrPii*, os alelos de Pgt foram diferentes dos alelos de Po ou de Pg, com predomínio de mutações não sinônimas entre as espécies. Não observou-se correlação direta entre o genótipo Avr-multilocus e a raça para os isolados de Pgt.

