



XXXVI CONGRESSO PAULISTA DE FITOPATOLOGIA

Instituto Biológico - São Paulo, SP - 19 a 21 de Fevereiro de 2013

CARACTERIZAÇÃO MOLECULAR DE *Sida micrantha mosaic virus* EM FUMO / Molecular characterization of *Sida micrantha mosaic virus* in tabacum. H.E.SAWAZAKI¹; J.A.C.SOUZA-DIAS¹; S.H.R.GRANDI²; J.F.PONTE² ¹APTA-IAC, ²Bolsista. E-mail:henok@iac.sp.gov.br.

A *Sida micrantha mosaic virus* (SimMV) é um begomovirus típico da América do Sul. Estudos têm relatado grande diversidade entre as begomoviruses infectando plantas nas Américas, com as da América do Sul em um agrupamento e as da América do Norte e Central em outro, sugerindo a evolução dentro de uma região geográfica ao invés de migração por longas distâncias. O fragmento amplificado pelos primers da região do DNAB de uma planta de fumo coletada no estado do Paraná foi clonado em pGEM-T e seqüenciado usando Big Dye 3.0 com o ABI PRISM 377. A seqüência consenso foi alinhada pelo BioEdit e CLUSTAL X e NJ PLOT para construção da árvore filogenética com seqüências do GenBank. A seqüência do isolado do fumo mostrou identidade de 89,9 a 93,0% com cinco isolados de SimMV localizados no Brasil nos anos de 2008 a 2012, e apenas 75,5% com uma coletada no Brasil em 2004, enquanto com duas SimMV localizadas na Bolívia em 2007 e 2011, respectivamente 87,4% e 73,5%. Ainda, 70,9 e 71,5% de identidade com duas *Tomato severe rugose virus* localizadas no Brasil em 2008 e 2010 e apenas 64,8% e 63,26%, respectivamente com uma *Okra mottle virus* do Brasil em 2012 e uma *Potato yellow mosaic virus* de Trindade em 2011. Estes dados mostram a diversidade da SimMV relacionada com a região geográfica e a época de coleta e o primeiro relato em plantas de fumo.