



**VARIAÇÃO GENÉTICA EM UM TESTE DE PROCEDÊNCIAS DE *Araucaria cunninghamii***

DANIELA ARAUJO<sup>1</sup>; DIANA CARLA<sup>2</sup>; CELSON MACHADO<sup>3</sup>; JOSÉ CAMBUIM<sup>4</sup>;  
ANANDA VIRGÍNEA AGUIAR<sup>5</sup>; MIGUEL LUIZ MENEZES FREITAS<sup>6</sup>; MARIO  
LUIZ TEIXEIRA DE MORAES<sup>7</sup>

<sup>1</sup> Agrônoma, estudante de pós-graduação, Faculdade de Engenharia de Ilha Solteira (FEIS/UNESP)- SP, dani.araujo32@gmail.com

<sup>2</sup> Cartógrafa, estudante de pós-graduação (FEIS/UNESP), dianac\_lima@hotmail.com

<sup>3</sup> Geógrafo, estudante de pós-graduação, (FEIS/UNESP), celso.machado@cesp.com.br

<sup>4</sup> Administrador, estudante de pós-graduação, (FEIS/UNESP),

<sup>5</sup> Pesquisadora- Embrapa Florestas, e-mail: ananda.aguiar@embrapa.br

<sup>6</sup> Pesquisador - Instituto Florestal de São Paulo, miguellfreitas@yahoo.com.br

<sup>7</sup> Professor - (FEIS/UNESP), teixeira@agr.feis.unesp.br

**Resumo:** A proposta do presente trabalho foi estimar a variação genética em teste de procedências de *Araucaria cunninghamii* a partir de caracteres de crescimento, bem como para compor a população de melhoramento. O teste é composto por 10 procedências de polinização aberta, originadas de Queensland na Austrália e foi implantado na Estação experimental do Instituto Florestal de São Paulo (IFSP), em Luiz Antônio, SP em novembro de 1985. O experimento foi estabelecido no delineamento de blocos completos casualizados, com 6 repetições, 4 plantas por parcelas no espaçamento de 3 x 2 m. Aos 29 anos após plantio foi avaliado o diâmetro a altura do peito de todas as plantas remanescentes. Para estimar os parâmetros genéticos e a deviance aplicou-se a metodologia REML/BLUP. Diferenças significativas entre as procedências e parcelas foram constatadas para o caráter DAP. A média do diâmetro a altura do peito foi de 23,21 cm, apresentando um incremento médio de 2,0 cm nos últimos 5 anos. A herdabilidade média de populações foi de 65% e uma acurácia de 80%. A procedência que apresentou o maior valor genotípico deverá ser priorizada para compor os testes de progênies da próxima geração de melhoramento.

**Palavras-chaves:** Variação genética; Melhoramento genético; Araucária.