



III Congresso Brasileiro de Recursos Genéticos

18 a 21 de novembro de 2014 Santos-SP

ISBN - 978-85-66836-07-3

ESTUDO DA GERMINAÇÃO DE GENÓTIPOS DE *Euterpe edulis* M.

MARCIA FLORES DA SILVA FERREIRA¹; MARINA SANTOS CARVALHO²; JOSÉ HENRIQUE SOLER GUILHEN³; TIAGO DE SOUZA MARÇAL⁴; CLEMILTON ALVES DA SILVA⁵; ADÉSIO FERREIRA⁶

¹Professora da Universidade Federal do Espírito Santo - ES, Departamento de Biologia, e-mail: mfloressf@gmail.com

²Bióloga, pós-graduando, Universidade Federal do Espírito Santo, Alegre - ES, e-mail: marinasantosufes@gmail.com

³Agrônomo, pós-graduando, Universidade Federal do Espírito Santo, Alegre - ES, e-mail: jhguilhen@gmail.com

⁴Agrônomo, pós-graduando, Universidade Federal do Espírito Santo, Alegre - ES, e-mail: tiagosmaragronomia@gmail.com

⁵Agrônomo, pós-graduando, Universidade Federal do Espírito Santo, Alegre - ES, e-mail: clemiltonalves@gmail.com

⁶Professor da Universidade Federal do Espírito Santo - ES, Departamento de Produção Vegetal, e-mail: adesioferreira@gmail.com

Resumo. O objetivo deste trabalho foi estudar parâmetros de germinação de semente de *E. edulis* M. Foram colhidas sementes de 20 matrizes distribuídas em quatro localidades nos municípios de Alegre/ES (AL1; AL2) e Mimoso/ES (MI1; MI2). O tamanho amostral variou de seis a três matrizes por local. De cada matriz foi colhido 100 sementes. Foi utilizado delineamento inteiramente casualizado com quatro repetições para a avaliação das características: primeira contagem de germinação; velocidade de germinação; tempo médio de germinação; e porcentagem de germinação. O tempo médio de germinação das sementes foi de 17,3 dias. E a porcentagem média de germinação foi de 23,25%. Entre as populações não houve diferenças significativas a 5% de probabilidade pelo teste de Tukey em todas as características. No entanto houve diferenças significativas entre as matrizes em todas as características a 5% de probabilidade pelo teste de Scott-Knott. As populações MI1 e MI2 mesmo não possuindo diferenças significativas se destacaram por possuírem os maiores valores em todas as características. As matrizes com valores significativamente maiores e significativamente menores de cada característica ficaram distribuídas aleatoriamente nas populações, sendo que algumas populações possuíram concomitantemente valores significativamente menores e maiores. Pela matriz de dissimilaridade os genótipos mais similares pertencem a AL 2 (0,04), e os mais divergentes foram encontrados entre os fragmentos AL 2 e MI 2 (0,50). O agrupamento hierárquico formou quatro grupos, dois com indivíduos de todos os fragmentos. Foi evidenciado existência de variabilidade entre as matrizes, e a desuniformidade encontrada sugere a necessidade de melhoramento da espécie a fim de se obter genótipos com progênies que apresentam homogeneidade nas características de germinação para facilitar o manejo na produção de mudas.

Palavras-chave: Juçara; Sementes; Melhoramento.