



TEOR DE PROTEÍNAS DE SEMENTES EM UMA POPULAÇÃO NATURAL DE *Dipteryx Alata*.

ALDO RENAN GOMES CAMBUIM¹; MIGUEL LUIZ MENEZES DE FREITAS², DANIELA ARAÚJO³, DIANA CARLA DE OLIVEIRA SANTANA LIMA⁴, DIEGO GENUÁRIO GOMES⁵, MARIO LUIZ TEIXEIRA DE MORAES⁶.

¹Graduando em Química, Universidade Federal de Uberlândia/FACIP, Ituiutaba – MG, aldorenan@hotmail.com

²Pesquisador, Instituto Florestal de São Paulo, São Paulo – SP, miguellmfreitas@yahoo.com.br

³Mestranda em Agronomia, Unesp/FEIS, Ilha Solteira - SP, dani.araujo32@gmail.com

⁴Mestranda em Agronomia, Unesp/FEIS, Ilha Solteira – SP, dianac_lima@hotmail.com

⁵Graduando, em Agronomia, Unesp/FEIS, Ilha Solteira - SP, diegogenhp@gmail.com

⁶Professor Titular da Unesp/FEIS, Ilha Solteira – SP, Departamento de Fitotecnia, teixeira@agr.feis.unesp.br

Resumo: O baru, *Dipteryx alata*, é uma espécie arbórea nativa do Cerrado Brasileiro. O objetivo do trabalho foi analisar os teores de proteínas de reserva (ALB, GLO, PRO e GLU) em sementes de uma população natural de *D. alata*, proveniente do noroeste do Estado de São Paulo. Foram analisadas 38 amostras utilizando 0,500 g da amêndoa moída. As análises estatísticas foram feitas com base no modelo linear misto. As estimativas entre os genótipos indicaram significância expressando a sua variação. As médias variaram de com base no teste da razão de verossimilhança (LRT) de 11,09 mg.g⁻¹(PRO) a 92,03 mg.g⁻¹(ALB) e os teores da GLO (57,36 mg.g⁻¹) e GLU (23,27 mg.g⁻¹) ficaram dentro no intervalo de variação. Em todas as estimativas para os coeficientes de variação, verifica-se que a variação genotípica foi superior a residual. Essas variações acabam refletindo nas estimativas de herdabilidade em nível de média do genótipo, que variou de 0,92 (GLO) a 0,98 (ALB). Essas altas estimativas de herdabilidade proporcionam estimativas de acurácia que variaram de 96,07% (GLO) a 98,76% (ALB). Com base nessas estimativas, verificou-se que nesta população existe uma ampla base genética, que pode ser explorada em programas de melhoramento genético, onde o teor de ALB seria o mais indicado para a seleção, em função de ter apresentado maior estimativa para o coeficiente de variação relativa (3,14).

Palavras-chave: baru, herdabilidade, variação genética.

Apoio: CNPq