



GENOTIPAGEM DO VÍRUS DA BRONQUITE INFECCIOSA DAS GALINHAS EM SISTEMAS DE PRODUÇÃO AVÍCOLA DO ESTADO DE TOLIMA, COLÔMBIA.

ANALORENA CIFUENTES RINCÓN¹; ROSA ANGÉLICA SANMIGUEL²

¹ Estudante de graduação, Universidad Cooperativa de Colombia, Facultad de Medicina Veterinaria y Zootecnia, e-mail: lorenacifuentesmvz@gmail.com

² Professora da Universidad Cooperativa de Colombia, Facultad de Medicina Veterinaria y Zootecnia, e-mail: rosa.sanmiguel@campusucc.edu.co

Resumo: O vírus da bronquite (VBI) é o agente etiológico de uma das doenças mais importantes da indústria avícola. Uma característica do VBI é a capacidade de mutação e recombinação, que contribui para o aparecimento de uma grande variabilidade de sorotipos e subtipos. Objetivou-se identificar os genótipos dos vírus isolados nos sistemas de produção avícola do estado de Tolima, Colômbia. Foram amostradas 105 aves com sintomatologia respiratória em 21 plantéis e realizado o isolamento viral em embriões de frango SPF (Specific Pathogen Free) a partir de swabs traqueais. Por meio da RT-PCR foram detectados os genomas dos vírus, sendo observadas 4 amostras positivas de 4 plantéis diferentes. Posteriormente foi realizado o sequenciamento do gene S1, sendo essas sequências comparadas com as sequências das vacinas registradas na Colômbia. As análises filogenéticas mostraram que os genótipos do VBI de Tolima apresentavam-se segregados em dois grupos filogeneticamente distintos de outros constituídos pelas vacinas comercializadas no país, indicando a existência de variantes autóctones nessa região. Tais dados sugerem que a presença de variantes do VBI nos plantéis pode ser a razão para o insucesso no controle do vírus, sugerindo que existe uma diminuição na proteção oferecida pelas vacinas, sendo necessário o desenvolvimento de novas vacinas de bronquite com maior proteção frente aos novos e numerosos sorotipos que se encontram no campo.

Palavras-chave: Análise molecular, Bronquite Infecciosa das Galinhas, Variabilidade genética