



**CARACTERIZAÇÃO DE FRUTOS DE JERIMUM CABOCLO EM GERMOPLASMA COLETADO NO RIO GRANDE DO NORTE**

LINDOMAR MARIA DA SILVEIRA<sup>1</sup>; AURIELE SILVA MEDEIROS<sup>2</sup>; WHENIA BENEVIDES RAMALHO<sup>2</sup>; GRACE KELLY LEITE DE LIMA<sup>3</sup>; MANOEL ABILIO DE QUEIRÓZ<sup>4</sup>; AURÉLIO PAES BARROS JÚNIOR<sup>1</sup>

<sup>1</sup>Professores, Universidade Federal Rural do Semi-Árido, Mossoró-RN, e-mails: Aurélio.barros@ufersa.edu.br; lindomarmaria@ufersa.edu.br

<sup>2</sup>Estudantes de graduação, Universidade Federal Rural do Semi-Árido, Mossoró-RN, e-mail: auriellexd@hotmail.com; whenia\_benevides@hotmail.com

<sup>3</sup>Doutora em Fitotecnia, e-mail: gracekllagro@gmail.com

<sup>4</sup>Professor, Universidade do Estado da Bahia, Juazeiro-BA, e-mail: manoelabiliomaq@gmail.com

**Resumo:** Buscando caracterizar germoplasma de *Cucurbita maxima* coletado no Rio Grande do Norte, instalou-se experimento na Universidade Federal Rural do Semi-Árido, Mossoró-RN. Utilizou-se delineamento em blocos ao acaso, com 25 tratamentos e quatro repetições. Os tratamentos foram constituídos de 24 acessos e uma cultivar. Avaliou-se: textura, rugosidade da casca e peso do fruto; peso médio de 100 sementes; comprimento médio das sementes; coloração primária e secundária da casca; relação comprimento/diâmetro; espessura média da casca e da polpa; cor da polpa; firmeza média da polpa e diâmetro médio da cavidade interna do fruto. Os dados foram submetidos à análise de variância e as médias agrupadas pelo teste de Scott-Knott a de 5% de probabilidade. Observaram-se diferenças significativas entre os acessos para todas as variáveis analisadas, sendo identificada variabilidade para todos os descritores utilizados. Onze acessos reúnem em um mesmo genótipo, características desejadas por produtores e por consumidores. A utilização desses acessos por melhoristas da cultura pode permitir desenvolver um material de qualidade em menor tempo que levariam se tivessem que buscar essas características em genótipos distintos.

**Palavras-chave:** *Cucurbita maxima*. Variabilidade genética. Melhoramento.

Agradecimentos: CNPq/INSA.