



CARACTERIZAÇÃO DE GENÓTIPOS DE JABUTICABEIRA COM BASE EM MARCADORES ISSR

ANA CRISTINA VELLO LOYOLA DANTAS¹; ELAINE SILVA DA CRUZ²;
LUCIMÁRIO PEREIRA BASTOS³; CATIA DIAS DO CARMO²

¹ Docente, Universidade Federal do Recôncavo da Bahia (UFRB), Campus Cruz das Almas, Ba. acloyola.ufrb@gmail.com.br

² Mestre em Recursos Genéticos Vegetais, UFRB/Embrapa Mandioca de Fruticultura. elaniesc_agr@yahoo.com.br, inriect@yahoo.com.br

³ Doutorando em Ciências Agrárias, UFRB. agronero@yahoo.com.br

Resumo: A jabuticabeira (*Plinia* sp.) é uma frutífera nativa pertencente à família Myrtaceae, de ocorrência espontânea em grande parte do Brasil. A caracterização de genótipos a partir de marcadores moleculares gera informações mais completas a respeito da variabilidade genética existente na espécie alvo. O objetivo deste estudo foi caracterizar genótipos de jabuticabeira localizados no município de São Félix-Ba, utilizando marcadores ISSR (Inter Simple Sequence Repeats - Sequências Simples Repetitivas Internas). Oito genótipos foram caracterizados com base em 18 iniciadores ISSR, obtendo-se 261 fragmentos de amplificação, variando de 8 a 23 fragmentos de amplificação por iniciador e média de 14,50, com uma taxa de 99,65% de polimorfismo. O conteúdo de informação polimórfica variou de 0,24 a 0,29 com média de 0,27 e o poder do marcador de 3,43 a 11,25, com uma média de 6,76. A análise da dissimilaridade genética possibilitou a formação de dois grupos de divergência, onde a maior distância genética foi de 0,93 entre os genótipos JSF2 e JSF7 e a menor foi de 0,50 entre o JSF1 e JSF3. O marcador ISSR foi eficiente em detectar polimorfismo entre os genótipos de jabuticabeira, podendo ser utilizado na caracterização molecular de germoplasma e em futuros trabalhos de melhoramento genético da espécie.

Palavras chave: *Plinia* sp., marcador molecular, variabilidade genética.