



CARACTERIZAÇÃO MOLECULAR, MORFOAGRONÔMICA E DE QUALIDADE DE GRÃOS DE RECURSOS GENÉTICOS DE CEVADA IRRIGADA NO CERRADO

RENATO FERNANDO AMABILE¹; FÁBIO GELAPE FALEIRO²; JOSÉ RICARDO PEIXOTO³; EDUARDO ALANO VIEIRA⁴; FLÁVIO CAPETTINI⁵; WALTER QUADROS RIBEIRO JÚNIOR⁶

¹Pesquisador- Embrapa Cerrados, Planaltina - DF, e-mail: renato.amabile@embrapa.br

²Pesquisador- Embrapa Cerrados, Planaltina - DF, e-mail: fabio.faleiro@embrapa.br

³Professor - UnB, Brasília - DF, e-mail: peixoto@unb.br

⁴Pesquisador- Embrapa Cerrados, Planaltina - DF, e-mail: eduardo.alano@embrapa.br

⁵Pesquisador- Field Crop Development Centre, Canadá, e-mail: flavio.capettini@gov.ab.ca

⁶Pesquisador- Embrapa Cerrados, Planaltina - DF, e-mail: walter.quadros@embrapa.br

Resumo: O objetivo deste trabalho foi gerar informações moleculares, morfoagronômicas e de qualidade de grãos visando explorar a variabilidade genética existente e permitir a seleção de genitores e o desenvolvimento de variedades mais produtivas. Foram avaliados 30 genótipos elite de cevada da Coleção de Trabalho da Embrapa Cerrados (Planaltina-DF), de origens diversas, adotando-se o delineamento experimental de blocos ao acaso, com quatro repetições, sob sistema de irrigação convencional. A variabilidade genética foi estimada utilizando 12 caracteres morfoagronômicos quantitativos, 10 caracteres de qualidade malteira e com base em 160 marcadores moleculares RAPD, dos quais (88,12% foram polimórficos indicando a elevada variabilidade genética. A análise de agrupamento mostrou tendência de agrupamento entre os genótipos mexicanos e estadunidenses, e de genótipos hexásticos. Observou-se a existência de variabilidade para caracteres qualitativos malteiros, sendo que os que mais contribuíram foram o nitrogênio solúvel e β -glucanas. Quanto às características morfoagronômicas, as que mais contribuíram para a variabilidade foram a área foliar da folha bandeira e o espigamento. Foi verificada tendência de agrupamento dos materiais dísticos e hexásticos. Os índices de seleção, baseado no ideótipo e de Elston, e a análise de agrupamento oportunizaram a seleção de genótipos promissores e indicação de cruzamentos. Como resultado finalístico, selecionou-se a BRS Savanna, para o cultivo em GO, MG e no DF.

Palavras-chave: *Hordeum vulgare* L.; diversidade genética.