



CARACTERIZAÇÃO DE ACESSOS DE FEIJÃO-FAVA COM BASE EM DESCRITORES QUALITATIVOS

RAIMUNDO NONATO OLIVEIRA SILVA¹, TELMA NAIR SANTANA PEREIRA²,
MESSIAS GONZAGA PEREIRA², ELBA HONORATO RIBEIRO³, REGINA LUCIA
FERREIRA GOMES⁴, PEDRO CORREA DAMASCENO JUNIOR⁵

¹ Doutorando do Programa de Pós-graduação em Genética e Melhoramento de Plantas da Universidade Estadual do Norte Fluminense (UENF), e-mail: jraio133@gmail.com

² Docentes do Programa de Pós-graduação em Genética e Melhoramento de Plantas da UENF, e-mail: telmasp2012@gmail.com e messiasgpereira@gmail.com

³ Pos-doc do Programa de Pós-graduação em Genética e Melhoramento de Plantas da UENF, e-mail: elba_hr@hotmail.com

⁴ Docente da Universidade Federal do Piauí, Departamento de Fitotecnia, e-mail: rfgomes@ufpi.edu.br

⁵ Docente da Universidade Federal Rural do Rio de Janeiro, e-mail: damascenjunior2009@gmail.com

Resumo: O feijão-fava (*Phaseolus lunatus* L.) é uma importante fonte de proteína vegetal e possui grande relevância no Brasil, principalmente no Nordeste e Sudeste, sendo alternativa alimentar e de renda. Apesar de seu valor econômico seu cultivo tem sido limitado. Dessa forma, objetivou-se caracterizar 30 acessos de feijão-fava com base em 18 descritores qualitativos, sendo oito relacionados a semente conforme *Bioversity International*. Os acessos foram semeados na casa de vegetação utilizando-se o delineamento experimental inteiramente ao acaso, com quatro repetições. Foi obtida a matriz de dissimilaridade genética utilizando a moda de cada variável por acesso. Realizou-se análise de agrupamento UPGMA. Foi verificada ampla variabilidade genética sendo formados sete grupos, com correlação cofenética de 0,74. Dentre os acessos quatro foram caracterizados como de hábito de crescimento determinado, característica importante para o melhoramento da cultura. Observou-se que 60% dos acessos possuem sementes esféricas e 67% achatadas.

Palavras-chave: Agrupamento; *Phaseolus lunatus*; Qualitativo