

DISSIMILARIDADE GENÉTICA EM SELEÇÃO DE PIMENTAS ORNAMENTAIS

Kauan Ferreira da Rocha¹; Bruna dos Santos Torres¹; Rôzy Maria Almeida Nunes Carvalho¹; Raimundo Nonato Oliveira Silva¹.

¹Universidade Federal do Piauí, UFPI. ferreirakau2022@gmail.com

As pimenteiras do gênero *Capsicum* são conhecidas por sua ampla diversidade de espécies que tiveram origem nas regiões tropicais do continente americano. O gênero possui mais de 40 espécies identificadas, dentre estas, as domesticadas são: *C. annuum*, *C. chinense*, *C. baccatum*, *C. frutescens*, *C. pubescens* e *C. assamicum*. No Brasil, há destaque para as espécies: *C. annuum*, *C. baccatum*, *C. chinense* e *C. frutescens*, por conta de suas características que atribuem-lhes apreço comercial, incluindo seu uso como matéria-prima para as indústrias farmacêutica, alimentícia e cosmética, além do seu potencial estético para ornamentação. Deste modo, o objetivo deste trabalho foi executar seleção de genótipos de pimenteiras do gênero *Capsicum* com atributos ornamentais realizando avaliação e seleção de genótipos de pimenteiras oriundos da Coleção de Sementes da UFPI/CAFS. Foram utilizados 11 genótipos de *C. annuum*, com três repetições e uma planta por parcela, em delineamento inteiramente casualizado. Para a análise da diversidade genética os dados foram submetidos a análise multivariada por meio do método hierárquico UPGMA, com base em seis descritores quantitativos, utilizando a distância generalizada de Mahalanobis. Há diferença significativa para todos os caracteres avaliados demonstrando variabilidade genética entre os acessos. Pelo método hierárquico UPGMA, foi possível a formação de quatro grupos. O grupo I alocou a maior quantidade de genótipos (GEN14, GEN16, GEN53, GEN57, GEN75 e GEN80), com menores valores para comprimento do fruto variando de 6,64cm a 14,36cm, sendo um caractere importante para uso ornamental pois seus frutos são diminutos. O grupo II formado exclusivamente pelo GEN77, com um dos menores valores médios para espessura da parede do fruto de 0,44cm. O grupo III reuniu o GEN22 e GEN39 com os maiores valores para maioria dos caracteres quantitativos de fruto largura e comprimento do fruto e comprimento do pedúnculo, enquanto o grupo IV agrupou o GEN38 e GEN40 com os menores valores para comprimento da folha variando de 16,06 cm a 23,28 cm. Os genótipos avaliados possuem variabilidade genética, com destaque para GEN16, GEN38, GEN40, GEN57, GEN77 e GEN80, que além de serem os acessos mais dissimilares dentre os estudados, apresentam características que conferem valor estético atribuindo-lhes potencial ornamental.

Palavras-chave: UPGMA; Diversidade; Hortaliças.

Agradecimentos: UFPI/CAFS/CTF.