

PARAMÊTROS GENÉTICOS EM POPULAÇÕES F₂ DE FEIJÃO-FAVA

João Vitor Morais Sousa¹; Marilha Vieira de Brito^{1*}; Yasmin Borges Diniz¹;
Bianca Silva de Oliveira¹; Raissa Matos Monção¹; Carlos Humberto Aires Matos
Filho¹; Verônica Brito da Silva¹; Maruzanete Pereira de Melo¹; Ângela Celis de
Almeida Lopes¹; Regina Lucia Ferreira Gomes¹

¹Universidade Federal do Piauí. * marilhabio@hotmail.com

O feijão-fava (*Phaseolus lunatus* L.) é uma leguminosa bem adaptada às condições edafoclimáticas do Semiárido e apresentando-se como segurança alimentar para comunidades rurais onde é cultivada. Contudo, os seus cultivos apresentam baixo rendimento, relacionado a vários fatores, levando a uma busca por genótipos com características superiores. Assim, objetivou-se selecionar genótipos com características superiores de vagens com base nos parâmetros genéticos estimados na geração F₂. O experimento foi realizado na Universidade Federal do Piauí (UFPI), na cidade de Teresina - PI, em casa de vegetação com sombreamento de 50%, a geração F₂ foi avançada entre os meses de fevereiro a agosto de 2021. Foram avaliadas as populações: H1 (BGP- UFPI 251 x BGP- UFPI 1000); H2 (BGP-UFPI 832 x BGP- UFPI 1000); H3 (BGP-UFPI 832 x BGP-UFPI 798); H4 (BGP-UFPI 220 x BGP-UFPI 1000); H5 (BGP-UFPI 220 x BGP- UFPI 1002) e; H6 BGP UFPI 220 BGP-UFPI 798. Utilizando o delineamento inteiramente casualizado, com cinco repetições, sendo a parcela constituída por duas plantas em um vaso de polietileno (5L). Os caracteres morfoagronômicos quantitativos foram: comprimento da vagem (CV), largura da vagem (LV), número de lóculos por vagem (NL), número de sementes por vagem (NS), comprimento da semente (CS), largura da semente (LS) e espessura da semente (ES). Os dados foram submetidos a análise de gerações na escala de P₁, P₂, F₁ e F₂, para variância fenotípica, ambiental, genética e a herdabilidade. Posteriormente, estimou-se a correlação de Pearson para os caracteres de vagens e sementes. Pelas estimativas dos parâmetros genéticos obtidos nas gerações F₂, verificou-se que o comprimento de vagem apresenta herdabilidade de alta magnitude, indicando que há maior probabilidade de sucesso na seleção de indivíduos superiores com relação a este caráter. Os genótipos 21, 18, 22 e 23, provenientes do cruzamento entre os genitores BGP-UFPI 220 com BGP-UFPI 798, e genótipos 16, 35, 3, 2 e 18, obtidos do cruzamento entre BGP-UFPI 251 com BGP-UFPI 1000, foram indicados para serem selecionados. As estimativas dos coeficientes de correlação de Pearson entre os caracteres quantitativos mostraram que existe correlação significativa e positiva entre CV x LV, CV x NS, CV x ES, LV x CS e LV x LS, indicando que vagens maiores tem maior número de sementes e com maiores tamanhos, sendo estes caracteres desejáveis em cultivares melhoradas.

Palavras-chave: *Phaseolus lunatus* L.; análise de gerações; correlação de Pearson.

Agradecimentos: Fundação de Amparo à Pesquisa do Estado do Piauí (FAPEPI) e UFPI.