VII CONGRESSO BRASILEIRO DE RECURSOS GENÉTICOS 8 a 11 de novembro de 2022 ISBN: 978-65-88187-06-7

ESTUDO DA DIVERSIDADE GENÉTICA PARA CARACTERISTICAS DE VAGENS E GRAÕS ENTRE ACESSOS DE FEIJÃO DO PARAGUAI

Amalio Mendoza ^{1*}; Pedro Viera¹; Wilson Pintos¹; Pedro Ruben Viera¹; Pedro Chávez¹; Luís Enrique Robledo¹; Ariel Vigo¹

¹Instituto Paraguayo de Tecnología Agraria. *E-mail do autor apresentador: amalio.mendoza@ipta.gov.py.

O feijão constitui uma das leguminosas de consumo no Paraguai, produzido praticamente só na finca da agricultura familiar, consumido em estado verde os grãos. O objetivo do trabalho é estimar as distâncias genéticas entre acessões para características de vagens e grãos. O trabalho de avaliações dos caracteres foi realizado no Centro de Pesquisa para Agricultura Familiar do Instituto Paraguayo de Tecnologia Agraria (CIAF-IPTA) do Paraguai. Cada acesso foi semeado em quatro fileiras de cinco metro de comprimento. As variáveis avaliadas foram: Comprimento de vagem, diâmetro de vagem, comprimento de grão, largura de grão, número de vagens por planta, número de grão por vagem e massa de 100 grãos. Os dados foram submetidos a procedimentos analises multivariado da Distancia Euclidiana Media e agrupados pelo método de Tocher, as importâncias dos caracteres foi estimado pelo método de Singh (1981). Para todas as análises foram utilizados o software GENES. Os acessos PRY H 0001 e PRY H 0014 foram os que apresentaram maior distância genética com valor de 0,7564. Os acessos PRY H 0007 e PRY H 0012 apresentaram menor distancia genética com valor de 0,0815. Os acessos foram agrupados em cinco grupos sendo o primer grupo com 12 acessos, segundo grupo com cinco acessos e três grupos com um acesso cada um. Na importância relativa das contribuições dos caracteres para a distância genética as variáveis massa de 100 grãos e número de vagem por plantas foram os mais importantes com 77,01% e 19,56%, respectivamente. Diâmetro de grão e largura de grão os que menos contribuíram com 0,010% e 0,012% respectivamente para a distância genética. Existem distancia genética entre os acessos que podem ser explorados para uso atual o em lotes de cruzamentos. A massa dos grãos constitui uma variável de interesse para o melhorista desta cultura.

Palavras-chave: Phaseolus vulgaris, agricultura familiar, distância genética.