

## ESTUDO DA DIVERSIDADE GENÉTICA PARA CARACTERÍSTICAS DE VAGENS E GRAÇOS ENTRE ACESSOS DE FEIJÃO NO PARAGUAI

Amalio Mendoza<sup>1\*</sup>; Pedro Viera<sup>1</sup>; Wilson Pintos<sup>1</sup>; Pedro Ruben Viera<sup>1</sup>; Pedro Chávez<sup>1</sup>; Luís Enrique Robledo<sup>1</sup>; Ariel Vigo<sup>1</sup>

<sup>1</sup>Instituto Paraguayo de Tecnología Agraria. \*E-mail do autor apresentador: amalio.mendoza@ipta.gov.py.

O feijão (*Phaseolus vulgaris*) constitui uma das principais leguminosas de consumo no Paraguai, produzido praticamente só na finca da agricultura familiar e consumido em estado verde dos grãos. O objetivo do trabalho é estimar as distâncias genéticas entre acessos para características de vagens y grãos. O trabalho de avaliação dos caracteres foi realizado no Centro de Pesquisa para Agricultura Familiar do Instituto Paraguayo de Tecnología Agraria (CIAF-IPTA) do Paraguai. Cada acesso foi semeado em quatro fileiras de cinco metro de comprimento. As variáveis avaliadas foram: Comprimento de vagem, diâmetro de vagem, comprimento de grão, largura de grão, número de vagens por planta, número de grão por vagem y massa de 100 grãos. Os dados foram submetidos a procedimentos de análises multivariadas da Distancia Euclidiana Media e agrupados pelo método de Tocher. As importâncias dos caracteres foram estimadas pelo método de Singh (1981). Para todas as análises foi utilizado o software GENES. Os acessos PRY H 0001 e PRY H 0014 foram os que apresentaram maior distância genética com valor de 0,7564. Os acessos PRY H 0007 e PRY H 0012 apresentaram menor distancia genética com valor de 0,0815. Os acessos foram agrupados em cinco grupos sendo o primer grupo com 12 acessos, segundo grupo com cinco acessos y três grupos com um acesso cada um. Na importância relativa das contribuições dos caracteres para a distância genética as variáveis massa de 100 grãos e número de vagem por plantas foram os mais importantes com 77,01% e 19,56%, respectivamente. Diâmetro de grão e largura de grão foram os caracteres que menos contribuíram com 0,010% e 0,012%, respectivamente para a distância genética. Existem distâncias genéticas entre os acessos que podem exploradas para uso atual ou em lotes de cruzamentos. A massa dos grãos constitui uma variável de interesse para o melhorista desta cultura.

**Palavras-chave:** *Phaseolus vulgaris*, agricultura familiar, distância genética.