

## DIVERSIDADE GENÉTICA DO BANCO DE GERMOPLASMA DE MORINGA

Tássia Fernanda Santos Neri Soares <sup>1\*</sup>; Itamara Bomfim Gois <sup>1</sup>; Rendel Julian Batista Porto <sup>1</sup>; Evandro Neves Muniz <sup>2</sup>; Ana Veruska Cruz da Silva <sup>2</sup>

<sup>1</sup>Universidade Federal de Sergipe. <sup>2</sup>Embrapa Tabuleiros Costeiros. \*E-mail do autor apresentador: tassia.fernanda@academico.ufs.br.

*Moringa oleifera* Lam. é uma espécie arbórea, pertencente à família Moringaceae, que se destaca pelos seus múltiplos usos. Com relevância tanto na alimentação humana quanto animal. As folhas de moringa apresentam elevado conteúdo nutricional, contendo antioxidantes, vitaminas e proteínas. Além disso, suas sementes são conhecidas pelo alto teor de óleo, podendo ser aplicado na alimentação, indústria de cosméticos e como potencial biocombustível. Dessa forma, a Embrapa Tabuleiros Costeiros estabeleceu em 2009, o Banco Ativo de Germoplasma de Moringa, localizado no Campo Experimental Jorge Prado Sobral, em Nossa Senhora das Dores, Sergipe. Atualmente, O BAG Moringa conta com 27 acessos representados por 191 genótipos, provenientes dos estados de Sergipe, Paraíba, Ceará, Pernambuco e Rio Grande do Norte. O objetivo desse estudo foi avaliar a diversidade dos genótipos do BAG Moringa, por meio de marcadores moleculares ISSR. Para isso, foi realizada a extração do DNA de folhas por meio do método o CTAB. Para a análise de PCR, foram utilizados 19 *primers* ISSR e o produto amplificado foi submetido à eletroforese em gel de agarose. Foram reveladas 132 bandas polimórficas, sendo os *primers* UBC 825 e UBC 818, os que revelaram mais (10) e menos (3) bandas, respectivamente. A heterozigose esperada ( $H_e$ ) variou de 0,04 (MO19) a 0,18 (MO4). O índice de Shannon (I) variou de 0,5 (MO18) a 0,27 (MO4). A média de *locus* polimórficos foi de 33,45%. Os coeficientes de similaridade de Nei variaram de 0,03 (MO22 e MO23) a 0,30 (MO4 e MO18) . Com base na análise de agrupamento por meio do programa Structure foram definidos dois grupos ( $k=2$ ). Os marcadores moleculares foram eficientes para avaliar a diversidade dos acessos do BAG de Moringa. No entanto, de modo geral, o BAG de moringa apresenta baixa diversidade genética.

**Palavras-chave:** marcadores moleculares ISSR, germoplasma, estrutura genética.

**Agradecimentos:** CAPES e Embrapa Tabuleiros Costeiros.