

Caracterização da diversidade genética em germoplasma de pimenteiras

Bruna dos Santos Torres^{1*}; Mayara Rodrigues e Silva¹; Kauan Ferreira da Rocha¹;
Rôzy Maria Almeida Nunes Carvalho¹; Raimundo Nonato Oliveira Silva¹

¹Universidade Federal do Piauí-UFPI; ²Universidade Federal de Viçosa-UFV *
brunatorres387@gmail.com.

As pimenteiras possuem aplicações em diferentes áreas do setor agroindustrial, sendo sua produção fonte de renda para agricultura familiar. Dessa forma, há necessidade de estudos que visem estimar a divergência genética da espécie pois fornecem subsídios para seleção de genitores com fontes de alelos favoráveis. Diferentes métodos podem ser empregados para inferir sobre a distância genética, e dentre as metodologias utilizadas, o algoritmo de Gower constitui-se como excelente alternativa. Diante do exposto, o objetivo deste estudo foi estimar a diversidade genética entre genótipos de pimenteiras utilizando conjuntamente caracteres quantitativos e qualitativos. O experimento foi conduzido em telado, utilizando 26 genótipos de *Capsicum*, com três repetições e uma planta por parcela, em delineamento inteiramente casualizado. Foram avaliados 13 caracteres quantitativos e 12 qualitativos, analisados conjuntamente por meio da matriz de dissimilaridade empregando o Algoritmo de Gower e em seguida foi submetido ao agrupamento hierárquico utilizando o método Ward. As análises foram realizadas com auxílio do programa R. Os genótipos mais similares foram o GEN57 e o GEN77, pertencentes à espécie *Capsicum annuum*, conhecidas popularmente como “pimenta ornamental vermelha”. Os mais divergentes foram o GEN11 (*C. baccatum*) e o GEN40 (*C. annuum*). Foi possível verificar a formação de quatro grupos, demonstrando a existência de variabilidade entre os genótipos avaliados. O grupo I reuniu os genótipos GEN14, GEN16, GEN38, GEN40, GEN53, GEN57, GEN77 e GEN75, todos pertencentes à espécie *C. annuum*, com os menores valores médios para a maioria dos caracteres avaliados. O grupo II alocou os genótipos GEN23, GEN22, GEN27, GEN29, GEN30, GEN31, GEN34, GEN37 e GEN63, pertencentes às espécies do complexo *C. annuum* (*C. annuum*, *C. frutescens* e *C. chinenses*). O grupo III reuniu a menor quantidade de genótipos sendo eles o GEN11, GEN35 e GEN89, todos *C. baccatum*, com os maiores valores para altura da planta (35,97 a 64,33 mm). O grupo IV reuniu genótipos com os menores valores médios para comprimento do fruto, a saber: GEN05, GEN06, GEN07, GEN12, GEN26, GEN32. Há diversidade genética entre os genótipos estudados. A caracterização utilizando Gower foi eficiente na estimativa da diversidade genética e na caracterização morfológica dos acessos. Os genótipos GEN14, GEN16, GEN40, GEN53, GEN57, GEN77 e GEN75 são indicados para uso ornamental e os genótipos Z3, GEN34, GEN31 são indicados para a produção de páprica.

Palavras-chave: *Capsicum*; Algoritmo de Gower; variabilidade.

Agradecimentos: UFPI/CAFS.