



## Nº 227 – Caracterização *in silico* da família de proteínas Albumina 2S da *Jatropha curcas* L.

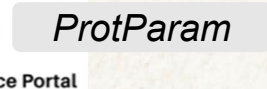
Francielly Carvalho de Oliveira<sup>(1)</sup>; Ilneide Braz Santos de Jesus<sup>(1)</sup>; Ciro Ribeiro Filadelfo<sup>(1)</sup>; Jaqueline Gleice de Sena Peixoto<sup>(1)</sup>; Rosenir Silva dos Santos<sup>(1)</sup>; Bruna Santos de Santana<sup>(1)</sup>; Marluce Santana Oliveira<sup>(1)</sup>; Jacqueline Araújo Castro<sup>(2)</sup>; Simone Alves Silva<sup>(1)</sup>

<sup>(1)</sup>Universidade Federal do Recôncavo da Bahia. <sup>(2)</sup>Instituto Federal de Educação, Ciência e Tecnologia Baiano-Campus Governador Mangabeira.

### OBJETIVO

Caracterizar *in silico* as proteínas Albumina 2S presentes no genoma de *J. curcas*.

### MATERIAL E MÉTODOS



DeepLoc 1.0

SignalP 5.0

NetSurfP 3.0

### RESULTADOS

Proteínas	aa	Pept. Sinal	P. M. c/s P.S.	pl c/s P.S.	GRAVY c/s P.S.
JCDBP09006	140	1-20	15,7 / 13,6	8,38 / 8,15	-0,273 / -0,666
JCDBP09007	140	1-28	15,98 / 13,02	6,88 / 6,48	-0,334 / -0,817
JCDBP09008	142	1-24	16,10 / 13,69	6,81 / 6,36	-0,313 / -0,775
JCDBP09009	140	1-24	15,78 / 13,38	5,53 / 5,54	-0,326 / -0,794
JCDBP09010	142	1-24	16,11 / 13,67	6,34 / 5,62	-0,345 / -0,846
JCDBP09011	145	1-21	16,44 / 14,23	6,72 / 6,76	-0,600 / -0,923
JCDBP09012	150	1-20	17,69 / 15,55	8,16 / 8,16	-0,727 / -1,161
Proteínas	Loc. Extracelular	Regiões de desordem			
JCDBP09006	88%	2			
JCDBP09007	83,3%	2			
JCDBP09008	75,2%	2			
JCDBP09009	86,2%	2			
JCDBP09010	87,2%	2			
JCDBP09011	87,2%	2			
JCDBP09012	94%	2			

### CONCLUSÃO

Os achados desta caracterização subsidiarão estudos de expressão gênica desta família em genótipos provenientes de programas de melhoramento genético, bem como atividade antimicrobiana.

### AGRADECIMENTOS

