



Nº 196 – ESTUDO DA DIVERSIDADE GENÉTICA PARA CARACTERÍSTICAS DE VAGENS E GRAÇOS ENTRE ACESSOS DE FEIJÃO DO PARAGUAI

Amalio Mendoza⁽¹⁾; Pedro Viera¹; Wilson Pintos¹; Pedro Ruben Viera¹; Pedro Chávez¹; Luís Enrique Robledo¹; Ariel Vigo¹

¹Instituto Paraguayo de Tecnología Agraria. *E-mail do autor apresentador: amalio.mendoza@ipta.gov.py.

OBJETIVOS

O objetivo do trabalho é estimar as distâncias genéticas entre acessões de Feijão para características de vagens y grãos

MATERIAL E MÉTODOS

O trabalho de avaliações dos caracteres foi realizado no Centro de Pesquisa para Agricultura Familiar do Instituto Paraguayo de Tecnología Agraria (CIAF-IPTA) do Paraguai. Cada acesso foi semeado em quatro fileiras de cinco metro de comprimento. As variáveis avaliadas foram: Comprimento de vagem, diâmetro de vagem, comprimento de grão, largura de grão, número de vagens por planta, número de grão por vagem y massa de 100 grãos. Os dados foram submetidos a procedimentos análises multivariado da Distancia Euclidiana Média e agrupados pelo método de Tocher, as importâncias dos caracteres foi estimado pelo método de Singh (1981). Para todos os análises foi utilizados o software GENES (Cruz 2016).

RESULTADOS

Os acessos PRY H 0001 e PRY H 0014 foram os que apresentaram maior distância genética com valor de 0,7564. Os acessos PRY H 0007 e PRY H 0012 apresentaram menor distancia genética com valor de 0,0815.

Tabla 1: Mayores y menores distancias entre Accesos de Feijão. Py, 2022

		Mayores distancia		Menores Distancia	
Genotipos	Genotipos	Valor	Genotipos	Valor	
PRY H 0001	PRY H 0014	0,756	PRY H 0009	0,216	
PRY H 0002	PRY H 0005	0,654	PRY H 0004	0,111	
PRY H 0003	PRY H 0005	0,566	PRY H 0002	0,222	
PRY H 0004	PRY H 0005	0,661	PRY H 0002	0,111	
PRY H 0005	PRY H 0014	0,744	PRY H 0010	0,296	
PRY H 0006	PRY H 0002	0,552	PRY H 0008	0,174	
PRY H 0007	PRY H 0014	0,509	PRY H 0012	0,081	
PRY H 0008	PRY H 0014	0,592	PRY H 0016	0,111	
PRY H 0009	PRY H 0014	0,627	PRY H 0017	0,100	
PRY H 0010	PRY H 0014	0,632	PRY H 0011	0,109	
PRY H 0011	PRY H 0014	0,576	PRY H 0010	0,109	
PRY H 0012	PRY H 0014	0,485	PRY H 0007	0,081	
PRY H 0013	PRY H 0014	0,617	PRY H 0020	0,183	
PRY H 0014	PRY H 0001	0,756	PRY H 0004	0,350	
PRY H 0015	PRY H 0005	0,545	PRY H 0018	0,171	
PRY H 0016	PRY H 0014	0,549	PRY H 0012	0,102	
PRY H 0017	PRY H 0014	0,609	PRY H 0009	0,100	
PRY H 0018	PRY H 0005	0,497	PRY H 0015	0,172	
PRY H 0019	PRY H 0005	0,604	PRY H 0020	0,215	
PRY H 0020	PRY H 0005	0,499	PRY H 0017	0,168	

Maximo: 0,756 Accesos 1 y 14

Mínimo: 0,081 Accesos 7 y 12

Na importância relativa das contribuições dos caracteres para a distância genética as variáveis massa de 100 grãos e número de vagem por plantas foram os mais importantes com 77,01% e 19,56%, respectivamente

Tabla 2: Importancia de caracteres. Py, 2022

Variables	S.j	Valor(%)
Longitud de Vainas	545,44	1,36
Diametro de Vainas	5,56	0,013
Longitud Semillas	23,90	0,05
Ancho Semillas	4,17	0,01
Granos /vaina	795,0	1,98
Vaina/plantas	7813,77	19,55
Peso 100 Semellas	30764,0	77,01

Os acessos foram agrupados em cinco grupos sendo o primer grupo com 12 acessos, segundo grupo com cinco acessos y três grupos com um acceso cada um

Tabla 3. Grupos de Accesiones. Py, 2022

Grupos	Accesos
< 1 >	7 12 16 11 8 17 10 6 20 9 13 19
< 2 >	2 4 3 15 18
< 3 >	14
< 4 >	1
< 5 >	5

CONCLUSÃO

Existem distancia genética entre os acessos que podem explorados para uso atual o em lotes de cruzamentos.