



131 - ANÁLISE MULTIVARIADA NA CARACTERIZAÇÃO DE GERMOPLASMA DE ABACAXI

Andressa Henrique Sousa^{1*}; Érica Oliveira Rebouças¹; Eva Maria Rodrigues Costa²; Fernanda Vidigal Duarte Souza²
¹Universidade Federal do Recôncavo da Bahia. ²Embrapa Mandioca e Fruticultura. *Andressa_henrique@hotmail.com

INTRODUÇÃO E OBJETIVOS

Os bancos de germoplasma constituem importantes fontes de genes com potencial de uso para os programas de melhoramento. No entanto, para que o germoplasma seja utilizado de forma efetiva, atividades de caracterização são essenciais. Assim, o objetivo deste trabalho foi caracterizar a variabilidade genética de acessos da variedade botânica Ananas comosus var. comosus do Banco Ativo de Germoplasma de Abacaxi (BAG-Abacaxi) da Embrapa Mandioca e Fruticultura por meio de descritores morfológicos.

MATERIAL E MÉTODOS

- ✓ O trabalho foi conduzido na unidade da Embrapa Mandioca e Fruticultura, em Cruz das Almas – Ba;
- ✓ Foram caracterizados 44 acessos utilizando 21 descritores morfológicos publicados pelo “International Board for Plant Genetic Resources” (IBPGR, 1991),
- ✓ Foi realizada a caracterização físico-química nos frutos de acordo com as normas da AOAC (1997).
- ✓ Foi realizada a análise de dissimilaridade baseada no índice de Gower e pelo método de agrupamento UPGMA (Unweighted Pair Grouped Method Average), com o auxílio do programa computacional GENES.

RESULTADOS

Foi observada a formação de três grupos, sendo o primeiro composto por oito acessos, o segundo por 35 acessos e o terceiro grupo formado por apenas um acesso.

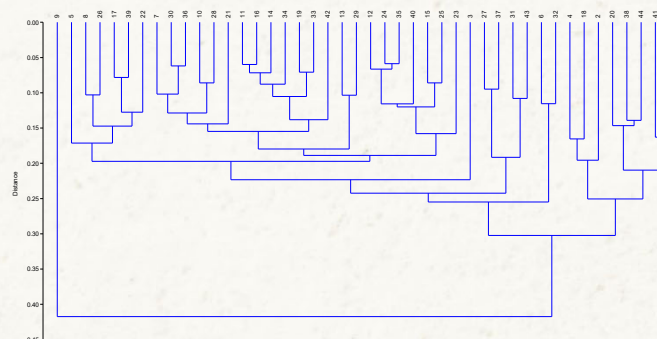


Figura 1. Dendrograma de dissimilaridade entre acessos de abacaxi, obtido pelo método hierárquico UPGMA, com base na matriz de dissimilaridade a partir de variáveis qualitativas e quantitativas.

Os acessos do grupo I apresentaram o maior comprimento do sincarpo, com média de 15,19 cm, em comparação aos acessos do grupo II (12,52 cm) e III (10,07 cm) que reuniram acessos com frutos menores. O acesso BGA-350 obteve destaque pela análise físico-química por apresentar o maior conteúdo de SS (18,6). Em contrapartida, o acesso BGA-733 foi o que apresentou o menor valor de SS (10,5).

CONCLUSÃO

Por meio do método UPGMA, foi possível constatar a variabilidade genética existente entre os acessos do BAG-Abacaxi, possibilitando a distinção entre os acessos através das características avaliadas.

Foram identificados acessos com características de interesse para o melhoramento genético quanto aos sólidos solúveis e acidez titulável, com ratios (SS/AT) acima de 35.

AGRADECIMENTOS

