



Nº 112 – A GENÔMICA COMO ALIADA NO CONHECIMENTO DO CONTROLE DE *Leptocybe invasa* EM EUCALIPTO

CRISLAINE COSTA CALAZANS*; MARIA SUZANA OLIVEIRA DA SILVA.; FERNANDA EVANGELISTA DE ALMEIDA.; JULIANA LOPES SOUZA.; RENATA SILVA-MANN, Universidade Federal de Sergipe (UFS)

OBJETIVOS

Analisar inovações tecnológicas, como patentes de sequências gênicas disponíveis, visando o controle da vespa -da-galha.

MATERIAL E MÉTODOS

A prospecção de patentes foi realizada no Software Lens. O escopo metodológico foi composto pelas palavras-chave: (“*Leptocybe*” and “*invasa*” and “*Eucalyptus*” and “control”). Aplicou-se um filtro para patentes para sequências no Genbank. Foram encontrados 245 sequências de nucleotídeos e aminoácidos, sendo 108 sequências relacionadas à espécie *Leptocybe invasa*.

RESULTADOS

Das 108 sequências, 51 apresentam comprimento entre 0-100 bp, (56) 101-5000 bp e (1) 5001-100k bp. A maioria das invenções referem-se ao campo do silenciamento de genes mediado por RNA de fita dupla (dsRNA), baseando-se no silenciamento de genes de espécies de eucalipto.

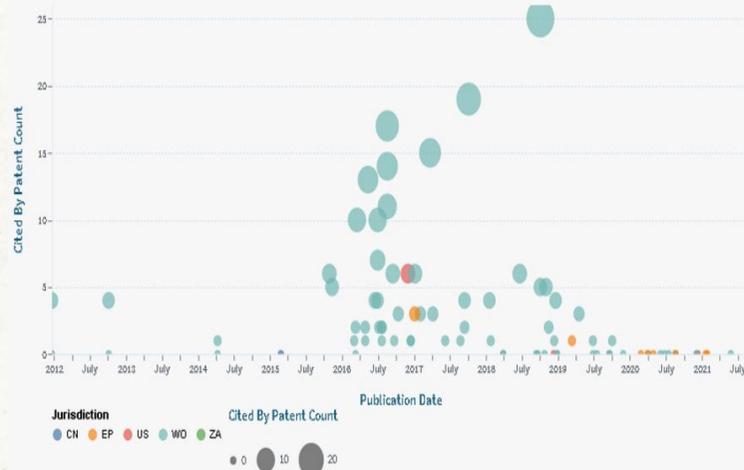


Figura 1. Número de patentes por ano de publicação e por escritório de origem. Fonte: LENS, 2021.

De acordo com a Figura 1, os países de origem das patentes que iniciou as publicações em 2012. A China lidera com 11 publicações tendo destaque a partir de 2016 até os dias atuais. E outras contribuições a partir de 2017, como a África do Sul (5); Reino Unido (4); Brasil (3); Índia, Tanzânia e Uganda com 2 artigos cada; e mais 12 com 1 publicação.

CONCLUSÃO

As informações estão relacionadas aos ácidos nucleicos e seus derivados como agentes de controle de vespas da galha. Assim, obtenções vegetais poderão ser acessadas para o controle da vespa-da-galha.

AGRADECIMENTOS

*Capes (001), CNPq.