



Nº XXX – Identificação de fontes de resistência à antracnose em genótipos de noqueira-pecã no Brasil.

Tales Poletto^{1*}; Igor Poletto²; Marlove Fatima Brião Muniz³; Valdir Marcos Stefenon¹

¹PPG Recursos Genéticos Vegetais, Universidade Federal de Santa Catarina.

²Laboratório de Proteção de Plantas, Universidade Federal do Pampa.

³PPG Engenharia Florestal, Universidade Federal de Santa Maria.

OBJETIVOS

Identificar fontes de resistência à antracnose causada por *Colletotrichum* spp., bem como, caracterizar a diversidade genética e identificar possíveis correlações entre marcadores moleculares e a resistência à *Colletotrichum* spp. em genótipos de noqueira-pecã.

MATERIAL E MÉTODOS

Para isso, 18 genótipos de noqueira-pecã cultivados no sul do Brasil, selecionados com base em marcadores genético-moleculares AFLP foram testados quanto à sensibilidade a três espécies de *Colletotrichum*, em frutos e em folíolos. Os testes foram conduzidos em laboratório pelo método da inoculação em frutos/folíolos destacados.

A avaliação foi realizada até o décimo segundo dia após a inoculação, a sensibilidade de cada genótipo foi determinada pela área das lesões nos pontos de inoculação. Marcadores moleculares microsatélites nucleares e plastidiais foram utilizados para avaliar a diversidade dos genótipos e a correlação genética entre os marcadores e as classes de sensibilidade a *Colletotrichum* spp.

RESULTADOS

A antracnose foi influenciada tanto por características do hospedeiro quanto do patógeno associado e se manifestou mais severamente nos frutos em relação aos folíolos. Os genótipos 63, 47, 29 e 56 apresentaram alta resistência a antracnose nos frutos e folíolos.

Os marcadores microsatélites nucleares e plastidiais não agruparam os genótipos de acordo com sua sensibilidade a *Colletotrichum* spp. e não houve correlação entre as características de sensibilidade com nenhum marcador microsatélite específico. Contudo, os índices de diversidade estimados demonstram moderada a alta variabilidade genética no grupo de genótipos avaliados.

CONCLUSÃO

Alguns genótipos de noqueira-pecan apresentaram alta resistência a antracnose, maiores estudos devem ser realizados buscando genes correlacionados a característica de resistência.

AGRADECIMENTOS

CNPq e CAPES pelo apoio financeiro e bolsas