



Nº 44 – CARACTERIZAÇÃO MOLECULAR DA DIVERSIDADE GENÉTICA EM POPULAÇÕES CLONAIS DE ALHO ROXO

Dalvan Beise^{1*}; Ana de Carvalho¹; Suelen Guterres¹; Andressa Hilha¹; Caroline Zanatta¹; Lucas Franco¹; Cristian Soldi¹; Leocir Welter¹; Miguel Guerra¹; Valdir Stefenon¹

¹ Universidade Federal de Santa Catarina

OBJETIVOS

Avaliar a diversidade genética entre e dentro das populações clonais estudadas visando auxiliar os produtores para seleção de material com características superiores.

MATERIAL E MÉTODOS

Foram selecionados oito populações clonais sendo cinco da região do planalto catarinense (SC). O DNA foi isolado a partir do método CTAB 2% e posteriormente genotipados a partir de 142 marcadores moleculares do tipo AFLP. Foram analisado os índices de diversidade genética: número médio de alelos (A), número efetivo médio de alelos (Ae), índice de entropia de Shannon (I), índice de diversidade (H) e porcentagem de locos polimórficos (%P). A relação genética entre amostras foi avaliada através de um dendrograma elaborado utilizando-se o índice de similaridade de Jaccard e o algoritmo UPGMA.

RESULTADOS

A análise genético-molecular demonstrou existir variabilidade genética tanto entre quanto dentro das populações clonais/cultivares avaliadas. Porém a diferenciação genética encontrada nas amostras está predominantemente entre os indivíduos/variedades e não entre os grupos.

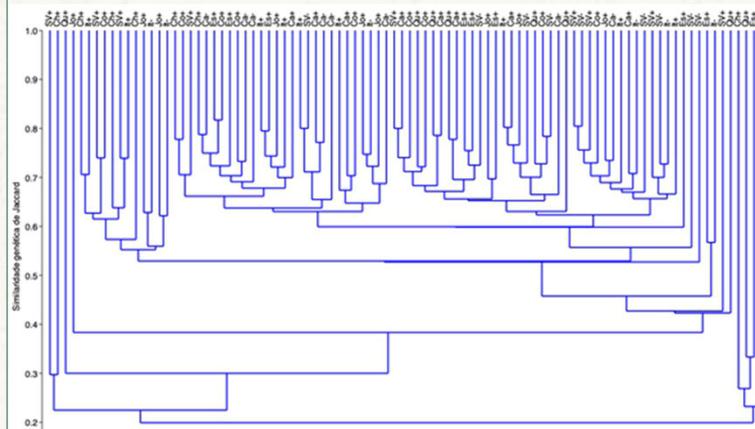


Figura 1. UPGMA dendrograma baseado no índice de similaridade genética de Jaccard proveniente de dados de marcadores AFLP. Coeficiente de correlação cofenética: 0,93.

CONCLUSÃO

Conclui-se segundo os resultados obtidos que a seleção clonal é uma estratégia viável para alcançar ganhos em produtividade do alho cultivado no Planalto Catarinense, além de contribuir para o estudo genético da espécie.

AGRADECIMENTOS

A CAPES, a FAPEU, ao SEBRAE e a Universidade Federal de Santa Catarina.

