VII CBRG
CONGRESSO BRASILEIRO DE RECURSOS GENÉTICOS
Multifuncionalidade e Qualidade de Vida
08 a 11 nov. de 2022

Nº 009 – INSETOS GALHADORES E CO-EXPRESSÃO GÊNICA EM EUCALIPTO

CRISLAINE COSTA CALAZANS[1] ; **JULIANA LOPES SOUZA**[2]; VALDINETE VIEIRA NUNES [1]; RENATA SILVA-MANN [1]

[1]Universidade Federal de Sergipe. [2]Universidade Federal de Lavras.

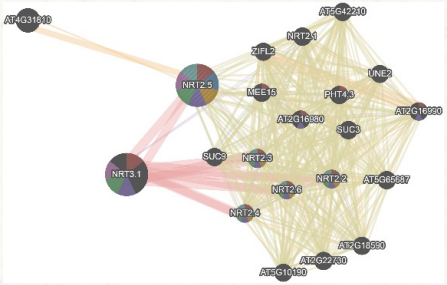
OBJETIVOS

Identificar genes-chave na resistência a *Leptocybe invasa* por expressão gênica em eucalipto. Para obtenção da rede de co-expressão o gene NRT2.5.

MATERIAL E MÉTODOS

Foi utilizada a plataforma GeneMANIA (https://genemania.org/). Ela permite encontrar genes que estão relacionados, usando um conjunto grande de dados de associação funcional. Os dados de associação incluem proteínas e interações genéticas, vias, co-expressão, co-localização e similaridade de domínio de proteína.

RESULTADOS



Funções: transportador de íons na transmembrana, resposta ao nitrato, resposta celular ao nitrogênio reativo, transporte de íons, transporte de íons inorgânicos, transporte de íons inorgânicos na transmembrana e resposta celular a substância inorgânica.

52,06% de interações físicas entre os genes, 21,72% interações previstas, 18,12% co-expressão, 4,9% domínios de proteína compartilhados, interações genéticas e 0,76% de compartilhamento de co-localização.

CONCLUSÃO

Os genes-alvo encontrados nessa pesquisa podem servir de base para posteriores caracterizações funcionais de genes relacionados a resistência a *Leptocybe invasa.*

AGRADECIMENTOS

UFS e Capes/CNPq