

ISOLADOS DE *Bacillus* spp. NO DESENVOLVIMENTO DE SOJA INFECTADA COM *Meloidogyne javanica*. Isolates of *Bacillus* spp. in the development of soybean infected with *Meloidogyne javanica*. NASCIMENTO, D.D.¹; MARCHIORO, V.¹; RODRIGUES, M.¹; ALCÂNTARA, A.S.²; FERREIRA, R.J.¹; KUPPER, K.C.³; FERRAUDO, A.S.¹; SOARES, P.L.M.¹; ¹Programa de Pós graduação em Agronomia (Produção Vegetal); ²Programa de Pós graduação em Agronomia (Ciência do Solo); ^{1,2} UNESP/FCAV, Câmpus de Jaboticabal; Via de Acesso Prof. Paulo D. Castellane, s/n. 14884-900, Jaboticabal - SP. ³IAC - Centro de Citricultura Sylvio Moreira; Cordeirópolis - SP. E-mail: danieldalvan@gmail.com. Apoio: CAPES/CNPq

O Brasil é o segundo maior produtor mundial de soja e dentre os fatores limitantes à altas produtividades, destacam-se os nematoides de galha. O controle biológico entra como uma importante ferramenta de manejo desse patógeno, dessa forma, o objetivo do trabalho foi avaliar isolados de *Bacillus* spp., sob dois métodos de aplicação, no desenvolvimento de soja infectada com *Meloidogyne javanica*. O trabalho foi conduzido em esquema fatorial 20 x 2, sendo 20 isolados, aplicados via sulco (S) de plantio e tratamento de sementes (TS), com 6 repetições, com adicional de quatro padrões comerciais [*Bacillus subtilis* linhagem QST 713 (TS); *Bacillus subtilis* linhagem QST 713 (S); Abamectina (TS); Cadusafós (S)], e duas testemunhas (com e sem nematoides). As variáveis analisadas foram, altura da parte aérea, massa fresca da parte aérea (MFPA), número de vagens/planta e teor de clorofila. Os dados foram padronizados para que apresentassem média 0 e variância igual a 1, então, fez-se análise de agrupamento hierárquico (AH), via algoritmo de Ward's e análise de componentes principais (ACP), a fim de reduzir a dimensão das variáveis estudadas e sintetizar as informações nelas contidas. Na ACP, considerou-se como relevantes os autovalores maiores que 1, de acordo com o critério de Kaiser. No AH, os tratamentos foram separados em três grupos, sendo eles, *Bacillus* spp. aplicados via S e testemunha (sem nematoides); padrões comerciais e testemunha (com nematoides); *Bacillus* spp. aplicados via TS. Pela ACP, foi possível observar que os tratamentos com *Bacillus* spp. e testemunha (sem nematoides) foram mais correlacionados com o número de vagens/planta, MFPA e clorofila, em relação aos padrões e a testemunha (com nematoides). Dentre os *Bacillus* spp., os tratamentos aplicados via TS, foram melhores para o índice de clorofila e os aplicados via S para à altura da parte aérea. Analisando ambos os componentes principais, os tratamentos com *Bacillus* spp., juntamente com a testemunha sem nematoides, tiveram maiores correlações com os parâmetros avaliados, em comparação com os padrões convencionais e com a testemunha com nematoides.

Palavras-chave: Nematóide de galha; *Glycine max*; Controle biológico de nematoides; Análise multivariada.