



**RESISTÊNCIA DO PORTA ENXERTO GOYTACÁ DE *Coffea canephora* A *Meloidogyne izalcoensis*.** Resistance of the Goytacá rootstock of *Coffea canephora* to *Meloidogyne izalcoensis*. Almeida, S.F. <sup>1,2</sup>; Santos, M.F.A.<sup>2</sup>; Silva, I.E.G.<sup>1</sup>; Lima, I.M.<sup>3</sup>; Salgado, S.M.L.<sup>4</sup>; Cares, J.E. <sup>1</sup>; Carneiro, R.M.D.G.<sup>2</sup>. <sup>1</sup>UnB, Brasília, DF; <sup>2</sup>EMBRAPA, Brasília, DF; <sup>3</sup>INCAPER, Vitória, ES; <sup>4</sup>EPAMIG, Lavras, MG; Email: 92sheilafreitas@gmail.com Apoio: Consórcio Pesquisa Café

Recentemente *Meloidogyne izalcoensis* foi relatada no Brasil parasitando cafeeiro (*Coffea arabica* L.) no município de Indianópolis, no Triângulo Mineiro, MG. Embora existam poucas cultivares resistentes aos nematoides-das-galhas no país, a resistência genética é considerada a medida de manejo mais eficaz, econômica e ambientalmente correta, possibilitando a substituição de lavouras improdutivas e infectadas. O objetivo deste estudo foi avaliar a reação de doze genótipos de café resistentes a *Meloidogyne* spp. a *M. izalcoensis*. Para isso, foram realizados quatro ensaios separados, utilizando a mesma concentração de inóculo (8.000 ovos/planta), dispostos em delineamento inteiramente casualizado, com oito repetições. Os genótipos que apresentaram  $FR > 1$  foram classificados como suscetíveis (S), enquanto aqueles com  $FR = 0$  foram considerados imunes (I). O Critério de alta suscetibilidade (AS) foi determinado usando análise estatística. Verificou-se a suscetibilidade a *M. izalcoensis* em quase todos os acessos e genótipos avaliados: Catuaí Vermelho 144, Mundo Novo 3791/19 (testemunhas), Catiguá MG2, MG 2841, MGS Ametista, MGS Aranãs, MGS EPAMIG 1194, MGS Guaçara, MGS Paraíso 2, MGS Pioneira e Vereda (FRs variando de 32,20 a 134,50), exceto a cv. Goytacá que se mostrou imune ( $FR = 0$ ). Embora a maioria das fontes de resistência disponíveis tenha apresentado suscetibilidade a *M. izalcoensis*, o porta enxerto Goytacá (*Coffea canephora*) apresentou potencial promissor. Dessa maneira, outros genótipos de *C. canephora* também devem ser investigados.