



TRIAGEM DE GENÓTIPOS DE TOMATE PARA RESISTÊNCIA A ESPÉCIES DE *Meloidogyne*. Tomato genotypes screening for *Meloidogyne* species. Fukuji, A.S.S.¹; Mian, S.¹; Nogueira, A.F.¹; Pontes, K.B.¹; Fagundes, D.F.V.¹; Resende, J.T.V.¹; Machado, A.C.Z.¹; Gonçalves, L.S.A.¹. ¹UEL, Londrina, PR. Email: aidafukuji@gmail.com. Apoio: CAPES.

O *Mi-1* é o único gene de resistência a *Meloidogyne* spp. presente em cultivares de tomate (*Solanum lycopersicum*), com atividade contra *M. incognita*, *M. arenaria* e *M. javanica*, mas não para *M. hapla* e *M. enterolobii*, o que torna necessário a busca de novas fontes de resistência. Assim, o objetivo deste estudo foi avaliar acessos de tomates silvestres quanto a resistência a *M. javanica*, *M. enterolobii*, *M. incognita* e *M. paranaenses*. O ensaio foi instalado com réplica em duas casas de vegetação (DIC, fatorial 11x4, com cinco repetições) sendo os tratamentos os acessos (cultivares Microton, Trinidad® e Sweet Heaven®, *S. galapagense*, *S. pimpinellifolium*, *S. chmielewskii*, *S. chilense*, *S. peruvianum*, *S. habrochaites*, *S. neoricki*, *S. pennellii*). Dez dias após o transplante, cada planta foi inoculada com 500 ovos e juvenis para *M. enterolobii*, enquanto para as demais espécies 1000 ovos e juvenis. A espécie *S. peruvianum* apresentou as menores médias para fator de reprodução (FR) e nematoides por grama de raiz (NGR) para todos os nematoides. Após 45 dias avaliaram-se os parâmetros nematológicos. Nenhum dos demais acessos apresentaram-se promissores, visto que o FR e NGR foram altos. Por meio da análise de agrupamento foi observado a formação de três grupos de acessos; o primeiro representado pela cv. Microton, por apresentar os maiores valores de NGR. O segundo grupo foi formado pelo acesso de *S. peruvianum*, por apresentar os menores valores de FR e NGR, e o terceiro compreende os demais acessos, por apresentarem similaridades entre si. Exceto o acesso de *S. peruvianum*, nenhum acesso mostrou-se como fonte de resistência promissora.